

Fig. 1

1 ATGTCCCAGGATTTTTCAGGCAAGGTCGCATTCGTAACGGGTGGTGCCTCGGGCATCGGT 60
M S Q D F S G K V A F V T G G A S G I G

61 GAGGCGGTTCGTCAAGCAGCTTGCCGCGCGCGGCCAAGGTTGTGGTTGCCGATCTCAAG 120
E A V V K Q L A A R G A K V V V A D L K

121 CTCGAAGGCGCGCAGGCGGTTGCCGATGCGGTCAAGGCCGCGCGCGGAAGCGGCCGCG 180
L E G A Q A V A D A V K A A G G E A A A

181 GTAGCTGTCGATGTCGCCAAGGCCGATCAGGTGGAGAAGGCTGTCCAGTTCCGCCGTCGAC 240
V A V D V A K A D Q V E K A V Q F A V D

241 ACCTTTGGCGCCCTGCATCTGGCGGTCAATAATGCCGGCATTTGGCGGCGCTTCCGCTCCC 300
T F G A L H L A V N N A G I G G A S A P

301 CTCGGCGATTATTCCTTCGACGACTGGCATAGGGTTATCGACGTCAATCTCAATTCCGTC 360
L G D Y S F D D W H R V I D V N L N S V

361 TTCTATTCGATGAAGTACGAGATCGTCGCCATGCTCAGGGCAGGCGGTGGCGCCATCGTC 420
F Y S M K Y E I V A M L R A G G G A I V

421 AACATGGCCTCCATCCTCGGCTCGGTGACCTTTCCCAATGCACCGGCCTATGTCACCGCC 480
N M A S I L G S V T F P N A P A Y V T A

481 AAGCACGGCGTGGTTCGGCATGACCAAGTCGGCCGCGGTGGACTATGCCAAAAGGGCATT 540
K H G V V G M T K S A A V D Y A K K G I

541 CGCGTCACGGCCGTCGGGCCCCGGTTTCATCGACACGCCGCTCCTATCCGCCTTGCCCAAG 600
R V T A V G P G F I D T P L L S A L P K

601 GAAACCCTGGACTACCTCAAATCCGTCCATCCGATCGGACGGCTGGGTACCTCGGATGAA 660
E T L D Y L K S V H P I G R L G T S D E

661 GTCGCAGCGCTGACCGCGTTCTGCTCTCCGATGCAGCGTCGAACATCACCGGCTCCTAT 720
V A A L T A F L L S D A A S N I T G S Y

721 CACCTGGTCGATGGCGGCTACGTCGCCCAATAG 753
H L V D G G Y V A Q *

Fig. 2

